

بسمه تعالی

کارگاه شماره ۳۳ با عنوان آشنایی با آنالیز داده‌های NGS

زمان: ۱۱ و ۱۲ شهریور از ساعت ۸ تا ۱۷

مکان: آزمایشگاه جامع تحقیقات دانشگاه علوم پزشکی اصفهان

مدیر علمی: دکتر محمدامین طباطبایی فر

همکاران: دکتر صحتی، خانم محمدی، خانم صادقیان، آقای پوررضا، آقای نره‌ای

مدیر اجرایی: دکتر لیلا دهقانی

**شرایط:** ثبت نام قبلی، حضور فیزیکی و ذهنی از ابتدا تا انتهای همه کلاس‌های تئوری و عملی، یادداشت برداری و گزارش نویسی، همراه داشتن روپوش آزمایشگاه، همراه داشتن دفترچه یادداشت و خودکار. عکس برداری آزاد اما فیلم برداری ممنوع می باشد. به همراه داشتن لپتاپ شخصی، اتصال به اینترنت پایدار

افراد پس از شرکت در این کارگاه، از دانش و توانایی لازم برای انجام تحلیل داده‌های توالی یابی نسل جدید و تکنیک‌های DNA-Seq و RNA-Seq و تفسیر نتایج آن در لینوکس برخوردار خواهند بود.

برنامه کارگاه

روز اول:

- ۸ تا ۱۰ – کلاس تئوری (دکتر طباطبایی فر): مقدمه (آشنایی با تاریخچه تکنولوژی‌های مختلف توالی یابی DNA، اصول بیوشیمیایی و توالی یابی نسل جدید، کاربردهای توالی یابی نسل جدید)
- ۱۰ تا ۱۲ – کلاس تئوری و عملی (دکتر صحتی، خانم محمدی): آشنایی با لینوکس، نحوه لود کردن لینوکس روی ماشین مجازی
- ۱۲ تا ۱۳ – استراحت و پذیرایی
- ۱۳ تا ۱۵ – کلاس تئوری و عملی (دکتر صحتی و خانم محمدی): آشنایی با فایل‌های اولیه، نمایش فایل‌ها و کنترل کیفیت، پیش پردازش، همترازی
- ۱۵ تا ۱۷ – کلاس تئوری و عملی (دکتر صحتی و خانم محمدی): فراخوانی واریانت

روز دوم:

- (۱) ۸ تا ۱۰ – کلاس تئوری (خانم صادقیان و آقای پوررضا): مبانی حاشیه نویسی و تفسیر واریانت
- (۲) ۱۰ تا ۱۲ – کار عملی (خانم صادقیان و آقای پوررضا): تفسیر واریانت
- (۳) ۱۲ تا ۱۳ – استراحت و پذیرایی
- (۴) ۱۳ تا ۱۴ – کلاس تئوری (آقای نره‌ای): بررسی نمونه‌های واقعی در آنالیز داده‌های NGS
- (۵) ۱۴ تا ۱۶ – کار عملی (دکتر صحتی): آنالیز داده‌های RNA-seq